

**N- Haplororyhmän yDNA suomensukuisten N1c>N1c1 haploryhmien leviäminen Uralilta-Eurooppaan**  
tarkemmin SNP L729 > L708 ovat myöhempien alaryhmien esi-isiä, kuten nyt mainitaan Ural-Altai-Siperian, akutien Skandinavian ja Ugric, Finn- Barnch`, jota tarkentaa alla oleva taulukko Savo-Karjala-Branch: stä Taulukko on lainaus Molgen sivustolta ja tekstin kirjoittaja on Seppo Liukko.

## **N- Haplororyhmän yDNA suomensukuisten N1c>N1c1 - haploryhmien leviäminen Uralilta-Eurooppaan**

LAINAUS SIVUILTA <http://eng.molgen.org/viewtopic.php?f=18&t=18>

Lähde: [https://docs.google.com/spreadsheet/ccc ...](https://docs.google.com/spreadsheet/ccc...) UD # Gid = 59

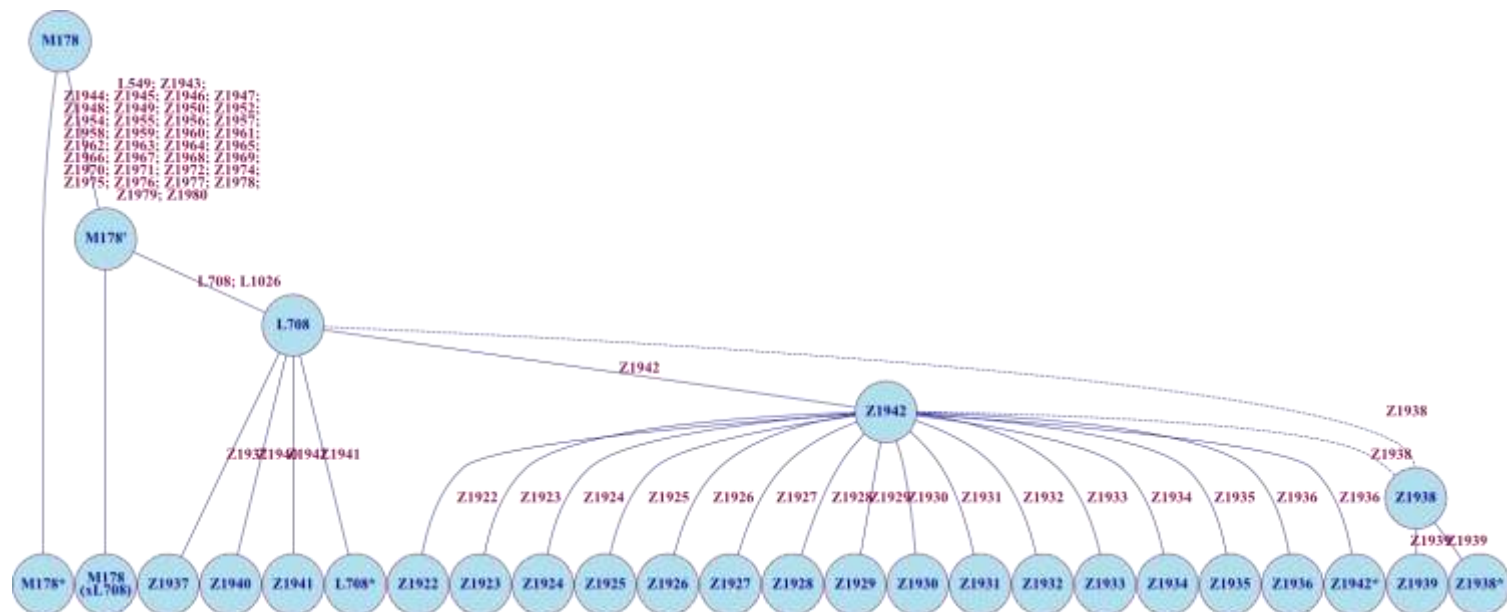
**Allaolevat SNP:t ovat suomensukuisten Savo-Karjala Branch eli Z-ryhmän SNP genomeista:**

Kuva ---admistr. Mougley

**Kuvassa M178 on vanhin-SNP, sitten M178\*, joka jakaantuu L708:n SNP-mutaation Z-pääryhmään Z1942:**

**Kaikkien savokarjalaisten yDNA:sta löytyy M178, L708 ja Z1942 sekä oma alaryhmä** alla olevan pallokaavio- taulukon mukaisesti.

**Huom.** taulukon alla maininta miten esim. muut ryhmät kuten Rurik L550+ (L1025-) periytyvät mutaation L708 kautta, nykyaikaan saakka:



Y-DNA: **N1c1d \***, **P188-**, **M178 +**; **P298 +**, **P21-**, **P67-**, **P119-**, **248 + (23andMe)**; **L248-** (FamilyTreeDNA); **L550 +**

YSearch: KABEC, FamilyTree: 106620 CCR5: del32 – normaali

**HUOMAA**, että suomensukuisten väestöjen Euraasiassa tapahtunut SNP-mutaatio L708\* on myös esi-isä myöhemmille N1c1\* ja SNP-esim. L550+ RURIK- isä- linjoille