

Seppo Liukko

© Seppo Liukko

Seppo Liukko kotisivut - n. 700 sivua printattuna : <http://www.elisanet.fi/liukkohistoria/>;
suomalaisten ja suomensukuisten väestöjen esihistoriaa, arkeologiaa, genetiikkaa, suomensukuisten väestöjen laajat alueet ovat taustaselvityksiä liukkohistoria - nimitutkimukselle.
Geenitulosten johtopäätelmissä on perusteena käytetty Family Tree DNA ja National Genographic-geenitutkimuslaitosten tutkimustuloksia:

FYLOGENETIC TREE yDNA N-haplogroup (Yurgan Molgen pages 9.10.2013) , look at next link, what is this writer` own Proto -Rurik- lineage, GENO 2 and FTDNA- results.

[Geenitutkimusten pohjana on kirjoittajan Seppo Liukko omat tiedot yDNA N-L550 haplogroup \(Proto-Rurik, Finnic Vikings\) ja mtDNA U5b1b1a](#)

Suomalaisten esihistoriaa- ks. kartat ja kuvat linkki>

<https://sites.google.com/site/liukkohistoria/>

Suomalaisten esihistoriaa, Suomensukuiset väestöt Euroopassa

(laajalla alueella Euraasiassa) -linkki >

[Suomensukuiset väestöt, Seppo Liukko](#)

Lyhyet yhteenvedot 1-10 ,

tutkimustuloksiin perustuen kirjoittajan Seppo Liukko yhteenvedoja ja johtopäätelmiä:

1. EUROOPAN VANHIMMAT GEENIT- SUURRIISTANMETSÄSTÄJIEN GENETIIKKA

Mistä suomensukuisilla yleisin N-haploryhmä on peräisin ja milloin suomensukuinen väestö on saanut alkunsa?

SUOMENSUKUISTEN VÄESTÖJEN N- HAPLORYHMÄ JA mtDNA U- RYHMÄ OVAT VANHIMPIA EUROOPASSA

(Muiden esim. indoeurooppalaisten väestöjen haploryhmät ovat saapuneet metsästäjien jälkeen Eurooppaan) Suomensukuisille ominainen vaaleus (*alla - mm. kohdassa 4*); Biologisista tutkimusperusteista osoitetaan nimenomaan juuri suomalaisille ja suomensukuisille väestöille tyypillinen vaaleus (- kirjoitus laadittu prof. tason tutkimustuloksiin perustuen- tarkemmin, ks. ko. linkit ja kartat).

HAPLOGROUP N:

Almost all haplogroup N men are found primarily in a geographical belt extending from eastern Siberia and the Siberian southern border area to Finland and the Baltic nations [51, 52]. A small number of samples from Beijing, Downloaded from on November 27, 2013 15

source- look at pages 14-15:

<http://biorxiv.org/content/biorxiv/early/2013/11/22/000802.1.full.pdf>

Suomeksi: Lähes kaikki N -haploryhmän miehillä olevat esiintymät ulottuvat pääasiassa maantieteellisesti vyöhykkeeltä Itä-Siperiasta ja Siperian etelärajalta alueelle Suomi ja Baltian maat [51 , 52] .Pieni määrä näytteitä löytyy myös Pekingistä (27. marraskuuta 2013). (lähimpiä sukulaishaploryhmiä ovat N, O ja uusi X, ks. ed. biorxiv.org- lähde s.5)

2. N- HAPLORYHMÄN SYNTY ALUEET SIPERIASSA (ETELÄ-AASIASSA) JA VÄESTÖMIGRAATIOT SIPERIASSA EUROOPPAAN, KIINAAN (ja autosomalgenetiikkaa Amerikkaan)

Suomensukuinen yDNA N-haploryhmä Euroopassa on todennäköisesti muodostunut Intian ja Siperian välisellä alueella n. 25-35.000 eaa. (tai Kiinassa?). Samaa geeniperimää on Keski-, Etelä- Siperian alueelta siirtynyt myös Eurooppaan ja Suomeen n. 24.000- 20.000 eaa- alkaen ja sieltä myös mm. Amerikan mantereelle, ks. linkki >

<http://phys.org/news/2012-11-native-americans-northern-europeans-previously.html#nRlv>.

On mahdollista, että Siperian N-ryhmä on siirtynyt ensin Eurooppaan Uralvuorten kautta jo ennen jääkauden maksimia (LGM). N-haploryhmän ensimmäisen mutaation M231 ja seuraavan LLY22g- mutaation N1C -genetiikkaa löytyy (ks. linkki: [Kiinan N1C - Fylogen tree by Yurgan](#)) suurinakin pitoisuuksina alueittain esim. Kiinasta. Tämän tutkimuksen TMRCA-laskelmat osoittavat olevan n. 22.000 vuotta vanhaa (YBP- ikä nykyajasta taaksepäin- lähde: > <http://dienekes.blogspot.fi/2013/10/ancient-y-chromosomes-of-west-liao.html>).

Kiinaan N- haploryhmän väestöjen siirtyminen Siperiasta olisi tämän teorian mukaan tapahtunut Eurooppaan siirtymisen jälkeen.

SUOMALAISTEN JA AMERIKAN NATIVE INTIAANIEN KANSSA SAMAA ALKUPERÄLTÄÄN YHTEISTÄ GENETIIKKA

Miksi esim. nykypäivän suomalaisilla ja Amerikan Native intiaaneilla (esim. Maya) voi olla samaa genetiikkaa?

Tätä N-ryhmän ryhmään liittyntä mtDNA ja autosomalista genetiikkaa on siirtynyt Beringin salmen kautta Amerikkaan jääkauden maksimin molemmin puolin. Silloin Beringin salmi oli kokonaan kuivaa tai ainakin helposti ylitettävissä, varsinkin kun elinkeinona (tarve) oli suuriistanmetsästys (mammutteja oli silloin Siperiassa, Euroopassa ja Amerikassa). Nykyisen geenitiedon mukaan tätä samaa Siperian genetiikkaa on levinnyt Eurooppaan ja Amerikan mantereelle (Ja Kiinaan). Tätä olisi tapahtunut jo n. 25.000 - 14.000 eaa. ajoista alkaen, siis jo ennen jääkauden maksimin (LGM) alkua, tällöin lähtöalueena on mainittu Keski - ja Etelä Siperia, ks. lähde Amerikan intiaanien genetiikka:

<http://phys.org/news/2013-11-ancient-siberian-genome-reveals-genetic.html#nRlv> sekä Nature lehti > <http://www.nature.com/nature/journal/vaop/ncurrent/full/nature12736.html>.

Tämä genetiikkaa, jota löytyy esim. nykyisiltä intiaanien ja suomensukuisten jälkeläisillä edelleen selityy sillä, että intiaaneilla ja Pohjois- Euroopan metsästäjillä eli lähinnä suomensukuisilta ja suomalaisilta, on samaa genetiikkaa jonka lähtöalueena on molemmilla sama Siperian alue. Suomensukuisilla tällainen kytkeä löytyy, varsinkin juuri vanhimman genetiikan väestöillä eli N- ryhmän ja myös mtDNA U-ryhmän väestöillä.

Yhteistä n. 25-14.000 vuotta vanhaa genomia on Siperiasta LGM:n ajoilta alkaen levinnyt Eurooppaan (erityisesti Suomeen), mutta myös Beringinsalmen kautta Amerikkaan.

Amerikkaan muuttaneilla väestöillä (Precolumbianisella väestöllä, ja heidän

jälkeläisillään) ilmenee samaa genetiikkaa kuin Eurooppalaisilla / Suomalaisilla.

Miten tämä on selitettävissä?

Tähän on olemassa selkeä genetiikkaan ja väestöliikkeisiin perustuva tieteellinen selitys. Saman lähtöalueen Siperian genetiikkaa voi löytyä esim. Suomesta tai Väli-Amerikan intiaaneilta, koska nykyiset ihmiset ko. alueilla polveutuvat osittain samoista 25.000- 14.000 eaa. aikaisista populaatioista (tutkimuksissa todetun 1-3%:n osuudelta, ks. alla Seppo Liukko henkilökohtainen tulos).

GEENITUTKIMUSTULOKSIA

Miksi suomessa asuvalla henkilöllä, jolla ei ole mitään kytkentää ainakaan viimeisen 1000 vuoden aikana Väli-Amerikkaan, hänen DNA tutkimustuloksensa voi osoittaa Maya intiaanien kanssa yhteistä genetiikkaa?

Geenitutkimusten tuloksien mukaan nyky-suomalaisilla voi olla edelleen samaa alkuperäistä Siperian genetiikkaa, kuin Amerikkaan jo kivikaudella siirtyneillä väestöillä, esim. Maya-intiaanien (nyky-) jälkeläisten kanssa. **Tässä tuloksia eri tutkimuslaitosten geenitutkimuksista 2012 Family Tree DNA** suomalainen Seppo Liukko 2.19% Maya-genetiikkaa, Geno 2%, ja GEDmatch n. 2%). Ks. MAYA- korkeakulttuuri Mesoamerikassa (*Maya- kulttuuri kehittyi Väliamerikkaan 3000 eaa. jälkeen*) linkki > [MAYA peoples+towns classical time 3000- 2000 BC and 900 AD -1600AD pdf](#) .

Tämä edellä olevista tutkimuksista esiin tuleva suomalaisten ja intiaanien yhteys osoittaa samalla, että suomensukuisten (ja suomalaisten) väestöjen alkuperään kuuluvaa genetiikkaa on ollut Siperiassa ainakin jo n. 25.000 eaa. -14.000 eaa. aikana.

Uralvuorten ja Euroopan alueen N- haloryhmää voidaan pitää jo varsinaisesti suomensukuisten väestöjen genetiikkana, silloin on jo muodostunut Ukrainan refugissa suomensukuisten kieli ja suomensukuisille tyypillisin vaaleus ja mm. siniset silmät "pohjoisen jääkauden pitkän matkan aikana" (ks. *Prof. Frost ja Rees- kirjoitukset ja kartat artikkelissa - kohta 4* > [Suomalaisten ja suomensukuisten väestöjen biologiset ominaisuudet- vaaleus, Seppo Liukko](#)).

3. SUOMENSUKUISTEN VÄESTÖJEN - GENEETTISET IKÄARVIOT VUONNA 2012 ja TMRCA eli yDNA N-haploryhmän geenimutaatioiden ikälaskelmat vuonna 2013, ed. vertailu:

Suomalaisten ja suomensukuisten väestöjen - ja -puhutun su-kielen syntyajoille olen esittänyt omat arvioni jo 1996 ja myös viime vuoden esihistoriakirjoituksen perusteella (*suomalaisten N* -haploryhmän geenimutaatioiden ajoituksesta ja ko. väestöjen sijainnista Siperiasta- Eurooppaan ja Suomeen*).

Arviot v. 2012 olivat rakennettu pääasiassa suomensukuisten esihistorian- ja arkeologian silloin tiedossa olevien argumenttien pohjalta.

Vuonna 2012 Seppo Liukko arvioi artikkelissaan ([linkki](#)

[Finns of genetic continuity theory. N1c1+SNPs Seppo Liukko 23.7.2012.pdf](#)), että suomensukuisten N1C -L729 mutaatio olisi muodostunut jääkauden maksimin jälkeen **16.000-10.000 eaa.** (kuten myös väestön suomensukuisten kieli).

Artikkelissa määriteltiin arviona ilman MRCA-laskelmia (jotka silloin eivät vielä 2012 olleet relevantteja) suomensukuisten seuraavat N-haploryhmän mutaatiot.

N-haploryhmän levinneisyyttä (*su-väestöjen paleo- mesoliittisen ajan metsästäjien alueet*) on ollut ja on edelleen nykyihmisten mittaustuloksina laajoilla alueilla Euroopassa ja myös

Siperiassa. Tämä leviäminen on tapahtunut suurriistanmetsästyksen seurauksena jo jääkauden maksimin jälkeen n. 16.000 eaa. jälkeen. Siksi myös seuraava suomensukuisten yDNA N1c1 mutaation ikäarvio M46 /Tat mutaatiolle on ajoitettu aikavälille **10.000- 6.000 eaa.** (siis selvästi ennen Kampakeramiikan aikaa). Nyt em. arviota voidaan verrata viimeisiin yDNA SNPs- kautta laskettuihin TMRCA- ikälaskelmiin. Laskelmien tulos on 10200 YBP eli **8200 eaa.**, lähdeviite 21.10.2013, Juhani Wäyrynen- N1c1 TMRCA > http://koti.mbnet.fi/juhani39/TMRCA_E.pdf (20.10.2013 taulukko).

Esihistoria- /arkeologiatietojen ja suomensukuisten väestöjen asutushistorian perusteella tehty arvio on ollut paikkansa pitävää tietoa, jotka geenitutkimukset hyvin vahvistavat. Ajoituksen ennusteet vuonna 2012 kirjoitettuna osoittavat, että tämän kotisivun kirjoittajan suomalaisten- ja suomensukuisten esihistoria- ja väestöliiketiedot sekä esihistoriakirjoitukset ovat olleet lähellä oikeita johtopäätelmiä. Amateurtutkijan laatimat mutaatioiden aika- arviot ovat hämmästyttävän lähellä tutkijoiden geenituloksista laskemia TMRCA- ikä arvioita 2013; ks.N-ryhmän 9:n viimeisimmät- mutaatiot > http://www.elisanet.fi/liukkohistoria/PDF/Finns_of_genetic_continuity_theory_SeppoLiukko23.7.2012.pdf.

JÄÄKAUDEN MAKSIMIN AJAN OLOSUHTEET EUROOPASSA JA VÄESTÖJEN REFUGI - ALUEET

Kartta prof. Frost (alla). Weiksel- jääkauden maksimin (LGM 22.000- 14.000 eaa. ajan) vaikutukset laajoilla alueilla Euroopassa ja lähialueilla

(PS. Weiksel- jääkausi alkoi n. 110.000 vuotta sitten ja päättyi n. 10.000 vuotta sitten (kesti n. 100.000 vuotta). Mutta vain jääkauden maksimin aikoina esim. Suomessa pääasiin jäätöntä- Mammutti löytöjä on useita, jotka on ajoitettu olleen ennen jääkauden maksimia, mm. Helsingin Vuosaaresta)

Refugit eli ihmisten pakoalueet LGM:n aikana Euroopassa (kartassa steppe-forest alueet), jonne myös ihmisten oli siirryttävä jäämassojen valtaamilta alueilta asuttaville alueille. Ukrainan - Aasian (Siperian) refugi, oli näiden alueiden välinen mannerjäätöntä (tundra- parktundraheinän-, samalla mammutin elinalueita) suurriistanmetsästysalue. Ukrainan refugin väestöt olivat suomensukuisia suurriistanmetsästäjien yDNA N- haploryhmän ja mtDNA U- ryhmän väestöjä (ja Su-kielisiä), jotka liikkuivat laajoilla alueilla Atlantilta - Siperiaan. LGM:n aikana merenpinnat olivat n. 100- 150 metriä nykyistä alempana, se johtui mannerjäätikön 1-3 kilometrin korkuisista jäämassoista. Yhteys Britanniaan oli mahdollista, Kanaali oli kuiva -tundraa (vrt. syvyys alle 100m. nykyisin) ja toisaalta yhteys **Ukrainan refugista Iberian refugiin** oli poikki Hampurin ja Alppien väliseltä tundrajää alueelta n. parintuhannen vuoden ajan, jääkauden maksimin erittäin kylminä aikoina.

Iberian - Afrikan refugi oli baskilais- afrikkalisten kielten aluetta ja **Etelä- Euroopan eli Balkan-Italian - Indoeuroopan refugi** oli silloin R- ja I-ryhmän väestöjä, ns. esi-indoeurooppalaista kieltä puhuvia väestöjä. Ks. lisätietoja tarkemmin erillisartikkelien **10.siv. yhteenveto Suomalaisten ja suomensukuisten väestöjen geneettisestä matkasta Eurooppaan.** Geneettiset ja arkeologiset tutkimukset- linkki http://www.nytimes.com/2008/08/13/science/13visual.html?_r=0

Dr. M. Kayser, O. Lao **osoittavat, että** suomensukuiset eroavat muista merkittävästi (metsästäjä genetiikkaa?) ja siksi johtopäätelmät suomensukuisten jatkuvuusteoriasta on mahdollista.

Euroopan alkuperäisväestöjä ovat toisaalta **Euroopan vaaleaihoiset suomensukuiset (the Finns) metsästäjät Alppien pohjoispuolella (Pohjois-Euroopan metsästäjät- Geno2)**, toinen väestöjen "alkuperä" lähtee Alppien eteläpuolelta (sardinialaiset maanviljelijät Geno2- määritelmä 2013). Tutkimustulokset Dr. Kayser ja O. Lao 13.8. 2008

julkaistu tutkimus esittää: "*The map also identifies the existence of two genetic barriers within Europe. One is between the Finns and other Europeans. ...The other is between Italians and the rest. This may reflect the role of the Alps in impeding free flow of people between Italy and the rest of Europe*". Alppien pohjoispuolella metsästäjinä olleiden suomalaisien suurin osa polveutuu jo muinoin Suomen alueelle jääkauden jälkeen asettuneesta väestöstä (*Kundan- kulttuurin väetöä*). **Uudet Geno2 (National Genographic)** tutkimukset osoittavat, että Alppien pohjoispuolisten alueiden asukkailla on edelleen yli puolet tai ainakin lähes puolet geneistään vanhinta metsästäjien genetiikkaa, aikaisemmin oli suhteellisen yleisesti oletus, että metsästäjien genetiikkaa olisi huomattavasti vähemmän kuin maanviljelyväestön genejä (ks. tarkemmin tämän tutkimuksen sivuilta mm. kirjoittajan omat tulokset, *Geno2*, jossa esim. *Britannian tai Saksan väestöjen genetiikassa on n. 50% Pohjois-Euroopan metsästäjien osuutta*, 2013). Kaiser ja Lao tutkimus osittaa kuitenkin sen tosiasian, että suomalaiset ja suomensukuiset väestöt edustavat eniten tätä metsästäjien genetiikkaa Euroopassa.

4. SUOMALAISET JA SUOMENSUKUISET OVAT EUROOPAN ALKUPERÄVÄESTÖJÄ

Koska mm. suomalaisilla yleisien yDNA N- Haploryhmä sekä mtDNA U ryhmät ovat n. 25-35.000 vuotta vanhaa genetiikkaa EurAasiassa. Suomensukuisten väestöjen ja - kielen jatkuvuusteoria alkaa todennäköisesti jo geneettisten yDNA / isälinjan tietojen perusteella jo N- M231 ja LLY22g mutaatioista alkaen.

Nämä N- haploryhmän ensimmäisten snipien (SNPs) - yDNA tiedot ovat suomensukuisten väestöjen alkuperää - esihistoriaa (esim. *N-M231 löytyy mm. tekstin kirjoittajalta*).

N- haploryhmän ketjun jatkumo löytyy geenitutkimuksien perusteella myös useimmilta N- haploryhmän suomalaisilta tai Baltian, Ruotsin ja Venäjän, Euroopan alkuperäisväestöjen N-ryhmän väestöiltä.

Suomensukuisten N-ryhmää on myöhemmin levinnyt ympäri maailmaa (Esim. *John Morton suku USA:ssa, tämä on N-ryhmän väestöjä Suomesta- Marttinen*).

Geenitutkimus (mm.FTDNA+GENO2) avaa esihistoriatutkimuksessa uutta vahvaa evidenssiä (*faktatietoa*) suomensukuisten jatkuvuusteorian perusteluille linkki

> [http://www.elisanet.fi/liukkohistoria/PDF/Finns_of_genetic_continuity_theory_N1c1+SNPs Seppo Liukko 23.7.2012.pdf](http://www.elisanet.fi/liukkohistoria/PDF/Finns_of_genetic_continuity_theory_N1c1+SNPs_Seppo_Liukko_23.7.2012.pdf)

Suomensukuisia N-haplogroup alkuperäisväestöjä on eniten Euroopassa Suomessa ja Baltiassa sekä Venäjällä, lisäksi ko. alkuperäistä N-ryhmää löytyy laajoilla alueilla Euroopassa,, lisäksi Ruotsiin on siirretty valtapolitiikan vuoksi 1200- 1600- luvulla huomattava määrä suomalaisia (*aluksi pääasiassa miehiä*), joiden N-ryhmän osuus on ollut n. 60% . Siksi Ruotsissa löytyy nyt n. 7% verran N-ryhmää, joka näkyy ko. Eurogenes

kartassa olevien nykyisten mittaustuloksien määrästä (*osuudesta koko väestöstä*), linkki

> http://www.elisanet.fi/liukkohistoria/PDF/Finnic_yDNA-N-haplogroup-Europe-EUPEDIAmap.pdf. Tässä on tämänhetkinen miesten yDNA N-L550 Finnic

Varangian haploryhmää ja **Proto-Rurik** esiintymät 2013 Family Finder tutkimustuloksien (Semargl) perusteella laadittu kartta. Huom. Finnic Varangian N-haploryhmän esiintymä tilastossa N1c1-L550 esiintymiä on eniten Suomessa (ks. *oheiset syyt; suomensukuisten väestöjen haploryhmä on N- ryhmä*) ja

linkki> <http://www.semargl.me/en/dna/ydna/haplotypes/maps/153/>

BALTILAISTEN JA RUOTSALAISTEN ALKUPERÄISVÄESTÖÄ OVAT SUOMENSUKUISET yDNA N- HAPLORYHMÄN VÄESTÖT (sama tilanne on mm. Venäjän , Puolan , Valkovenäjän , vanhan Preussin alueilla ja

Skandinaviassa, esim. Varjagit ja Viikingit, joilla on yDNA N- haploryhmää)

Geenitutkimusten ja väestölaskelmien perusteella myös balttilaiset ja ruotsalaiset N-ryhmän väestöt ovat alkuperäistä suomensukuista tai suomalaista perimää Baltiassa ja Ruotsissa.

Baltian suomensukuisten N-ryhmästä geenitutkimus, lähde, **Suomalaisten geneettiset alkujuuret, Idästä vai lännestä, Huopana, Lappalainen, Savontaus 2006** lainaus:

"Suomalaisten lisäksi (*N-halporyhmän*) TatC- muotoa esiintyy yleisenä balteilla, joiden isälinjoista noin 30–40 % on tätä itäistä tyyppiä (Laitinen ym. 2002). Toinen N-ryhmän TatC-muodon ydinalue on idässä, jossa sitä löytyy Siperian jakuuttien ja Mongolian burjaattien isälinjoissa (Zerjal ym. 1997). Suomalaisten ja balttilaisten isälinjojen samankaltaisuus kertoo läheisestä geneettisestä sukulaisuudestamme balttien kanssa. Tämä ei enää näy kielisukulaisuudessa, sillä latvialaisten ja liettualaisten arvellaan vaihtaneen suomalais-ugrilaisen kielensä indoeurooppalaiseen kieleen (Laitinen ym. 2002). Ja Ruotsin N-ryhmän esiintymistiheys n. 7%, mistä se on tullut Ruotsiin, ks. väestölaskelma N-ryhmästä, lähde: **Onko N-ryhmä Ruotsissa kokonaan suomensukuisten- tai Suomesta tullutta genetiikkaa (ja myös Proto-Rurik N1c1-L550 members) ?**

SUOMENSUKUISTEN PUHUMA KIELI ON VAIHTUNUT - KIELENVAIHTO - puhutun kielen voi vaihtaa, mutta alkuperägeneejään ei voi vaihtaa.

(vertaa entisten suomensukuisten alueilla olevien väestöjen puhuman kielen ikää mm., baltin-, ruotsin- tai esim. venäjänkielen ikää suomensukuisten kielten ikään)

Suomensukuisten väestöjen kielenvaihto on tapahtunut Skandinaviassa ja Baltiassa vasta länsigermaani- kielisen- väestön nousun jälkeen (*Baltiassa vastaavasti slaavinkielisten-*). Kielenvaihtuminen on tapahtunut pääosin vasta kansainvaelluksen aikoina ja sen jälkeen 800- 1200- luvulla (AD). Ruotsinkieleen liittyvänä asiasta on kirjoittanut suomenkielen prof. T. Lehtinen: varsinainen muinais- ruotsinkielen murre on syntynyt ja muodostunut vasta n. 850- 1500 aikana (*Prof. Lehtinen 2007:234*).

Kun vertailuna on osoitettavissa, että suomenkieli eli suomensukuisten puhuma kieli on ainakin 10- 16.000 vuotta vanhaa metsästäjien, laajalla alueella Euroopassa. Katso mm. kartta 900-luvulta Ruotsin alueen väestöistä (*germaani muuttojen alueella muodostui ruotsinkieli n. 1100-luvulle mennessä*) jossa suomensukuisten väestöjen alueilla vielä silloin (*n. 1100 AD*)

Tukholman -Uppsalan korkeudella ja siitä ylöspäin olevilla alueilla puhuttiin vielä suomensukuisia kieliä. Asiasta on linkki > [en.Wikipedia Finnic peoples - kartta](#), jossa on tilanne 900-luvulla (AD) suomensukuisten väestöjen (ja kielisten) alueista ja niiden supistumisesta voidaan arvioida nykypäivinä- eli karttatilanteen 900 AD jälkeen. Nämä alkuperäisväestöt ovat olleet geneettisesti N1c1 suomensukuisten (- ja kielistä) väestöryhmää,

VENÄJÄN RURIK SUKU ON yDNA SUOMENSUKUISTEN FINNIC N-HAPLORYHMÄN ALKUPERÄÄ (Finnic tai suomalaisten)

Suomesta on Rurikin -suku, kirjoitti Venäjän Historian "isä" Vasili Tatishchev jo vuonna 1783 (itsekin Rurikids), myös Katarina II mainitsi asiasta (tiesivät asiasta siis ennen N1c1 -L550 geenituloksia). PS. Rurikids Tatishchev / Liukko yDNA67- GD on 7, samoin Proto-Rurik Karlsson-Werme / Liukko GD on 7 (*Source: Semargl -isälinjojen geneettinen läheisyys-genetic distance =GD*) .

5. SUOMALAISTEN JA SUOMENSUKUISTEN N - HAPLORYHMÄN MATKA SIPERIAN KAUTTA EUROOPPAAN - kartta tieteellisten tutkimustuloksien pohjalta. Siperiasta Eurooppaan, Kiinaan n. 25.000 - 22.000 eaa., N-ryhmää eniten jakuuteilla 90%, suomalaisilla 63% ja balteilla, liettualaisilla 40%, (esim. ruotsalaisilla n.7%)

Tässä alla karttakuva allekirjoittaneen DNA- tutkimuksen (Geno2) määritelmästä suomensukuisten N-ryhmän henkilökohtaisesta esi-isälinjasta, kit 236032, N-L550 (*Proto-Rurikid*) ja muuttoreitistä - migraatioista Afrikasta- Aasian kautta Eurooppaan ja Pohjois-Eurooppaan (*se on pääasiassa ns. Pohjois-Euroopan metsästäjien klusteria*).

Lähde/source: karttakuva National Geographic GENO2 - Seppo Liukko N-L550 Proto Rurik, Finnic Vikings (Baltic Sea areas), ks. kartat ja kuvat linkki>
<https://sites.google.com/site/liukkohistoria/>

6. SUOMALAISET JA SUOMENSUKUISET OVAT EUROOPAN ALKUPERÄVÄESTÖJÄ (Jääkauden maksimin LGM:n ajoilta)

Suomalaisten ja suomensukuisten (su) Euroopan alkuperäisväestöjen biologiset ja genettiset ominaisuudet esim. ihmisten vaaleus, on nähtävissä ja todettavissa edelleen. Vaikka N-haploryhmä on peräisin Kiinasta n. 22-30. 000 vuotta sitten, ja ennen jääkauden maksimia LGM) Siperiaan siirtynyt väestö sopeutui vähäiseen auringonvaloon ja melamiinitasoon, jonka vuoksi N-ryhmän Eurooppalaiset ovat erittäin valkoisista väestöä.

ALKUPERÄISILLE SUOMALAISILLE ON OMINAISTA VAALEAIHOISUUS (VAALEA IHO, SINISET SILMÄT JA VAALEAT HIUKSET)

Miksi suomensukuisten väestöjen vaaleus on ominaista? Suomensukuisten läsnäolo pitkän Weiksel- jääkauden aikana Siperiassa ja Euroopassa on muuttanut alkuperäistä Afrikasta-Aasiasta peräisin olevaa biologista ja autosomal- geneettistä perimää, eri suuntaan kuin esim. huomattavasti myöhemmin Eurooppaan saapuneiden indoeurooppalaisten perimä on, joille ei ole ominaista vaalea iho, siniset silmät tai vaaleat (*blondi*) hiukset. Nykyisin geenitutkimuksen edistyessä tiedetään, että indoeurooppalaiset maanviljelijät ovat voimakkaasti assimiloituneet Euroopan alkuperäisväestöön- metsästäjäväestöön. Sen vuoksi myös autosomalisen sekoittumisen on vaikuttanut näiden väestöjen vaaleuden lisääntymiseen (*Uralilta - Englantiin migraatoitujen vuoksi ja edelleen hyvin laajalti Amerikkaan ja Etelä-Eurooppaan jne.*).

Ks. em. vaikutus National Geographic- Geno 2 yhteenvedot; Pohjois-Euroopan metsästäjien suhteellinen osuus on 50% tai yli ja maanviljelyväestöä yleensä vähemmän ainakin Alppien pohjoispuolisilla alueilla.

Tämä suomalaisten ja suomensukuisten väestöjen muutos näkyy myös autosomalisissa geneettisissä tutkimuksissa, Ks. useat prof. tason tutkimukset ko. asiasta, teksti + kartat, linkki > [Suomalaisten ja suomensukuisten väestöjen biologiset ominaisuudet \(vaaleus; -vaaleat hiukset, -vaalea iho, -siniset silmät\), Seppo Liukko.](#)

Huomaa myös suomalaisten ja saamelaisten geneettinen- ja biologinen (autosomalinen) - vaaleus ero, vaikka puhekieli on samaa suomensukuisten kieltä. Saamelaiset eivät ole ns. **tundravaaleiden** Alppien pohjoisalueiden alkuperäisaukkaita (*joita suomalaiset ovat*), vaan saamelaiset ovat tulleet Komsaan Iberian refugista suomensukuisten alueiden läpi n. 12-9.000 eaa. aikana (ks. Seppo Liukko 1996). Saamelaiset ovat saaneet hyvin pienenä populaationa voimakkaan geenivaikutuksen suomalaisilta (*ympäristön enemmistöväestöltä*) mm. N-haploryhmää sekä U -äitilinjan ryhmää.

Pohjois- saamelaisten vaaleus prosentti on ko. tutkimuksessa alle 20%, kun suomalaisten on 80% (ks. Prof. Rees ja Frost kartta). Alkuperä saamelaiset ovat tulleet Iberian -refugista ja saaneet suomensukuisten Hampurin -kulttuurin aikana kontaktin suomensukuisiin väesöihin, joka on aiheuttanut saamelaisille vuorikauriin hoitajille **kielenvaihdon (-ja uutta genetiikkaa) jo noin 10-12.000 eaa. aikana.** Sen jälkeen saamelaiset ovat siirtyneet Norjan sulaa rannikkoa pitkin Skandinavian pohjoisosiin mm. Komsaan saakka (*tarkemmin näillä sivuilla, otsikon suomensukuiset ja- kioeliset väestöt Euroopassa*).

Ks. tutkimus suomalaisten vaaleus 27.9.2002 Prof. Jonathan Rees, University of Edinburg (BBC News, WORLD EDITION): "Researchers predict the last truly natural blonde will be born in Finland – the country with the highest proportion of blondes". Tutkijat ennustavat viime aidosti luonnollinen blondi on syntynyt Suomessa - maassa, jossa suurin osa blondia. Laajemmin määriteltynä vaaleus on erityisesti suomensukuisten ominaisuus, joka juontuu jo jääkauden maksimin LGM ajoista alkaen ja Ukrainan Refugista. Mutta eteläosien suomensukuisten alueille on tullut uutta indoeurooppalaista väestöä, että vaaleus väestöosuutena on vähentynyt.

Kartta Frost 1, vaaleat hiukset Euroopassa ja – lähialueilla ks. kartat ja kuvat linkki>
<https://sites.google.com/site/liukkohistoria/>

7. KAMPAKERAAMINEN LAAJA -ALUE OLI VIELÄ SUOMENSUISEN VÄESTÖJEN JA -KELIEN AIKAA n. 5200 alkaen.

Esigermaanikielinen Vasarakirveskulttuuri (Nuorakeraaminen -) saapui suomensukuisten Itämeren altaan alueille n. 3200- 2000 eaa. aikana (silloin ei vielä kieli vaihtunut).

Suomensukuisten kampakeramiikan alueille (*Baltiaan, Suomeen, täältä Ruotsiin ja osittain myös Valkovenäjä*) tullut ensimmäinen migraatio oli Nuorakeraaminen - Vasarakirveskulttuurien maanviljelyä levittänyt muuttoaalto n. 3000 eaa. alkaen (*N1c1 -genetiikka- alueelle tuli hieman myös indoeurooppalaista genetiikkaa*).

Sen vaikutukset alkuperäisiin suomensukuisiin väestöihin mm. Baltiassa, Suomessa ja Ruotsissa olivat merkittäviä, se oli syy elinkeinon muuttumiseen metsästyksestä maanviljelyyn (hitaasti 2000 - 4000- vuoden aikana), kieli ei vaihtunut, mutta suomensukuiseen kieleen tuli suuri määrä esigermaanikielen lainasanoja (*maanviljelyyn liittyvää sanastoa*). **Kaskiviljelyn aloittaminen tapahtui vasarakirveskulttuurien eli nuorakeramiikan aikana Suomessa ja Baltiassa.** Alla lainaus Viron esihistoriasta: "Pohjois- Viron nuorakeraamisilta löytöpaikoilta mm. järvien rannoilta ja soista on löydetty ohran ja vehnän siitepölyä, joka on ajoitettu n. vuoteen 2000 eaa." Prof. Kriiska sekä lisäksi: "Nuorakeramiikan vasarakirvesajan esigermaaninkielisiä miesryhmiä muutti Baltiasta Viron kautta Suomeen n. 2800- 2000 eaa." Prof. Aivar Kriiska 2007: 73-81. Vasarakirveskulttuuri on tullut Suomeen Baltian kautta ja levinnyt Suomesta Ruotsiin (*tässä yhteydessä myös vaaleaa N-ryhmää Suomesta Ruotsiin*). Aikaisemmin oli oletettu päinvastoin, M. Huurre 1995;71-72.

Vasarakirveskulttuurin myötä Suomen alueen väestön geneettiseen N- ryhmään tuli uutta, suomensukuisten N- ryhmän Baltian (*Itämeren suomalaista*) alueen L550+ ja L1025- mutaatioita (ks. erittäin pätevä *TMRCA- laskelma -Juhani Wäyrynen taulukko N1c1 -haploryhmän eri muttatioiden SNPs - ajoituksesta- ks. linkki - <http://koti.mbnet.fi/juhani39/NsubcladesD2.jpg>*). Weikselin alueelta (*Puolan-Saksan ja Baltian kautta*) Suomeen ja täältä Ruotsiin tulneiden Vasarakirveskulttuurien väestöjen on todettu (mm. *TMRC tutkimus edellä*), olleen jo osaksi Itämeren alueen (South Balt)

suomensukuisten **N1c1 -väestöjä** (*silloiset su-väestöt olivat yDNA N-ryhmää*), myöhemmin ko. väestöille tuli 500. eaa. - 900 jaa. germaanien, slaavien ja barbaarien kansainvaellusten seurauksena - kielenvaihtoja. Siksi monet aikaisemmin N- ryhmän su-väestöt puhuvat nykyisin erilaisia indoeurooppalaisia kieliä- nykyisissä kansallisuusvaltioissaan, kuten venäjä, baltti, ruotsi, saksa, puola jne.. On huomattava, että vaikka joillakin aikaisemmin suomensukuisilla väestöalueilla on nykyisin erilainen indoeurooppalainen kieli, kuin alkuperäisväestön puhuma su- kieli, niin **tosiasia on**, että ko. väestön kieli ja N- ryhmän alkuperä **on edelleen su- väestöjen N-ryhmää ja näiden puhuma kieli on aikoinaan ollut suomensukuisten su-kieli** (*suurriistanmetsätäjien Pohjois-Euraasian genetiikka**). **Vasarakirveskulttuurien migraatio oli pääasiassa suomalaisväestöjen ITÄMEREN alueen migraatio** (*Weikselin - Preussin alueelta, Baltian kautta Suomeen, ja täältä Ruotsiin, ks. esim. vaaleus - leviäminen kohta4.*), mutta samalla se oli jo **"kaksikielinen"** eli suomensukuistenkielinen - ja **esigermaanikielinen migraatio** (*ks. asiasta mm. Prof. Jouko Vahtola, Suomen Historia 2003, s 14-15*).

ITÄMEREN SUOMENKIELEN YHTEYKSIÄ ESIGERMAANIIN - JA ESIKELTTIIN JO N. 2500 BC

Katso myös kielitieteilijä Adam Hyllested (PhD) tutkimus esigermaani- ja keltinkielen esiasteista ja niiden yhteyksistä itämerensuomalaiseen kieleen (Fi). Tässä tutkimuksessa sivuilla 123-124 mainitaan Finnic (baltfinnic) kielen olemassaolosta jo 2000 vuotta ennen ajanlaskua(BC), linkki >

http://www.academia.edu/377059/The_Precursors_of_Celtic_and_Germanic.

Myös tämän asian yhteenvedossa mainitaan sivulla

20, että itämerensuomenkieli on ollut yhteydessä esigermaani- ja esikeltinkieliin. Tästä on teoriassa mahdollista sellainen johtopäätelmä, että "Finnic language- (Fi) connections and old substrates to nowadays indoeuropeans language ab. before 2000 BC" eli suomensukuisten väestöjen kieli on ollut pohjana indoeurooppalaiselle esigermaanikielelle, josta on muodostunut mm. esikeltinkieli n. 2500-2000 BC aikoina nykyisen Tsekin valtion alueilla. **Keltinkieli olisi kivikautisen suomen- ja esigermaanikielten yhdistelmä**, johon on myöhemmin tullut uutta indoeurooppalaista kieliainesta n. 2000 BC jälkeen. Suomensukuisten kielten sanasto saattaa esiintyä edelleen joidenkin indoeurooppalaisten sanojen alkuperä-substraattina. Asiasta on kielitieteessä eriäviä mielipiteitä, mutta mm. suomensukuisten kielten ikä huomioiden tämä on mahdollista. Asiaan liittyvät merkittävät tiedot Fennic-Finnic kielen yhteyksistä em. indoeurooppalaisikieliin löytyvät yhteenvedon **sivuilta 20 - 21**, ks. linkki >

Suomensukuisella itämerensuomenkielellä (Finnic (Baltfinnic) on ollut jo n. 2500-2000 eaa. aikana yhteyksiä esigermaanikieleen ja myös esi kelttiläiseen kieleen, tästä > [PhD Adam Hyllested tutkimus + Seppo Liukko teoria- Finnic kielen vaikutus indoeurooppalaisiin kieliin](#).

8. EUROOPAN METSÄSTÄJIEN (-SUOMENSUKUISTEN) GENETIIKKA ON EUROOPAN NYKYIHMISISSÄ EDELLEEN n.50% (ALPPIEN POHJOISALUEILLA)

Pohjois-Euroopan (*koko Euraasian pohjoisosien*) alkuperäinen väestö on suomensukuisten metsästäjien (*suurriistanmetsästäjien**) yDNA N- haploryhmää sekä H- ja U- mtDNA- haploryhmiä (*esim. GENO2 project*). Laajojen aluiden

suomensukuisten väestöjen kieli ei vaihtunut ennen kansainvaelluksia mm. Ruotsissa, Venäjällä, Baltiassa (pl.Estonia-Viro); Belaruss, Puola, Preussi, Skandinavia, Ruotsi (*kielenvaihtuminen on on alkanut pääasiassa n. 500- 900AD välisenä aikana- jatkuu edelleen*). **Suomalaisten ja suomensukuisten geenit ovat Pohjois-Euroopan metsästäjien genetiikka- (ja su- kieli), ne ovat samalla alkuperäisväestöjen yDNA isälinjan N- haploryhmää (suomalaisilla n. 58%:lla) , suomalaisten äitilinjat ovat yleensä H sekä U mtDNA haploryhmiä (joita on suomalaisilla yhteensä n. 65%)** . PS. Kirjoittajan, Seppo Liukko isälinja haplotyyppi on N1c1-L550 Finnic Varangian, Proto -Rurik ja mtDNA äitilinja on U5b1b1a.

Euroopan vanhinta suurriistanmetsästäjien ajalta peräisin olevaa äitilinjaa mtDNA:n U- genetiikka esiintyy suhteellisesti eniten Euroopassa nimenomaan suomalaisilla (ja saamelaisilla): Ks. suomalainen geenitutkimus 2006- linkki alla:

"**Nykyisten pohjoissaamelaisten äitilinjojen genetiikka eroaa muista suomalaisista ja eurooppalaisista, sillä heillä yleinen äitilinjan mtDNA haploryhmä on H1 ja U5b1b**". "nämä olisivat peräisin Iberian refugista. Tämä olisi tapahtunut niin, että Iberian väestöä olisi siirtynyt pohjoiseen ja Fennoskandian läntistä reittiä Norjan silloista "kuivaa" rannikkoa pitkin mm. **Komsaan n. 9000 eaa**" **Suomalaisten geneettiset alkujuuret, Idästä vai lännestä,** Huopana, Lappalainen, Savontaus 2006;12 (1);63-81). **GENO 2 kartta** (National Geographic) henkilökoht. Seppo Liukko tiedot mtDNA U- äitilinjan matka Afrikasta lähtien laajalti Eurooppaan n. 35.000 eaa. alkaen ja Suomeen (U5b1b1a). Ks. kuvat linkki> <https://sites.google.com/site/liukkohistoria/>

9. yDNA N- HAPLORYHMÄN ja mtDNA U- HAPLORYMIEN VÄESTÖT OVAT EUROOPAN ALKUPERÄISTÄ METSÄSTÄJÄVÄESTÖÄ n. 25.000- 25.000 YBP

Suomalaisilla yleisen N- ryhmän laajat alueet Euroopassa ja lähtöalueella Aasiassa: Ketkä henkilöt tai mm. mitkä tunnetut väestöryhmät (*hallitsijat*), voisivat olla alkuperältään N-ryhmää:

KIINAN HAN - DYNASTIA

Esimerkiksi Kiinan alkuaikojen dynastia, järjestyksessä II n. 200eaa. alkaen, oli N-ryhmän väestöjen (Liu- Li sukunimisten) Han- dynastia.

Ensimmäinen keisari oli Gaozuna Han, nimeltään Liu Bang of Han (sukunimi ensin). Han -kausi jakaantuu kahteen osaan **Länsi Han- dynastia (206eaa-9**

jaa), alue lähellä **Xi,an kaupunkia** (*Pääkaupugin nimi oli Chang'an nykyisen Xi,an lähellä, ks. kartta alla, Wei-sivujoki laskee, läheiseen Keltaisen - eli Huoang ho- joen mutkaan, tämän nykyinen Shanxin- maakunnan eteläosissa oleva Han- kansan nimestä kertova Han - joki- laskee eteläiseen Jangtze-jokeen,* Myöhempi **Itä Han-kausi (9 - 220**

jaa.) **pääpaikka oli Shandongin maakunta. Han-dynasty hallitsi Kiinaa 400 vuotta.**

Länsi- Han –dynastian (Qin), vuonna 1974 löydetty, kuuluisat **terrakotta-armeija**

aarteet ovat Xuzhou kaupungin erikoisuus. Xuzhoun- kaupunki on ollut olemassa

aikaisemmin nimeltään **Pengcheng**, se oli Han -dynastian ensimmäisen keisarin Liu Bang`n

kotikaupunki (*se sijaitsee nykyisin Jiangsu - maakunnan pohjoisosassa*). **Itä Han- kauden**

hallintoalueen pääpaikka oli **Shandon** -maakunta, joka sijaitsee Keltaisen joen alueella

ja lähellä-etelään nyk. Peking (*PS. Kongfutse syntyi Shandongissa 555 eaa.*).

Kartta, Han-dynasty 206 eaa. - 220 jaa. laajimmillaan (*Han- keisarien hallintoaikaa kutsutaan "Kiinan kultakaudeksi"*), - kuva 29.6.2013 Seppo Liukko terrakotta army-näyttely, Tampere, Vapriikki (*klikkaa kuva suuremmaksi*). Ks. kuvat linkki>

<https://sites.google.com/site/liukkohistoria/>

Han- dynastian aikaisia terrakotta - armeijan ja Kiinan keisarien aarteita esiteltiin Tampereella, kuva 2013 Seppo Liukko, tässä linkki esittelyyn

> <http://www.travelchinaguide.com/attraction/jiangsu/xuzhou/terracotta.htm>

Ks. kuvat linkki> <https://sites.google.com/site/liukkohistoria/>

Tästä alla linkit (sekä kuvat linkki> <https://sites.google.com/site/liukkohistoria/>)

laajempaan maantieteelliseen karttanäkymään, jossa on nähtävissä **N-haploryhmän Han-väestön** laajat alueyhteydet Aasiassa, jotka ulottuvat pohjoisessa Siperian suomensukuisten alueille ja idässä Koreaan, Japaniin sekä etelässä mm. Vietnamiin - Kambozaan - mm. 1200 AD ajan Angkor Wat`n, jolla on myös yhteydet sanskriitin kulttuurialueille (*joiden on myös todettu olevan Aasian N-ryhmän levinneisyys alueita*)

> http://bladams.tripod.com/empire/han_e/han.jpg. Ks. myös en. Wiki

> http://en.wikipedia.org/wiki/Angkor_Wat

FYLOGENEETTINEN PUU

(N- ryhmän geenitulosten mutaatioiden (SNPs) kautta saatu isälinja järjestys)

Family Tree DNA N-group members (*oheinen linkki*- N-haploryhmän fylogen. puu-*

Yurgan), ovat mm. yksi yDNA tulos Han Jiangsu YCH40 on N1a ja toinen yDNA-

tulos Han Shandon YCH205 on N1* (*it is near N1C*). Samassa fylogen. puussa on löytyy

myös Liukko 236032, Proto -Rurik, Finnic Vikings FIN. linkki* > [Seppo Liukko omat](#)

[tiedot yDNA N-L550 haplogroup \(Proto-Rurik, Finnic Vikings\) + N-group](#)

[Fylogen.puu](#)

PS. geenitutkittujen henkilöiden asuinpaikat ovat Jiangsu ja Shandon, jotka sijaitsevat

Keltaisen meren rannalla- eteläkaakkoon Pekingistä. Molempien maakuntien

alkuperäisasukkaita ovat **han- väestö / han- kansat**, joiden **genetiikka on alunperin ollut**

pääasiassa N-haploryhmää (*Huom. Shandon - maakunnan läpi virtaa Keltainen*

joki, Jiangsu sijaitsee etelään Shandonista, maakunnan läpi virtaa etelässä Jangtse-joki).

SUOMENSUKUISTEN ALUEIDEN RURIK- DYNASTIA

(Ensiksi Staraja Ladoga myöhemmin n. 820 alkaen Novogorod- Kiova- Moskova)

Suomensukuisten N1c1 -haploryhmää Euroopassa edustaa myös mm. Rurik- klaani,

on levinnyt Viikinkien mukana myös mm. Ranskaan, Espanjaan ja Britteinsaarille

mm. **Stuart-suku**, joka oli Skotlannin hallitsijoita.

Rurik- klaani on geneettisesti Finnic N-haploryhmän L550 **Proto-Rurik-isälinjaa**.

Tätä suomensukuisten ja suomalaisten **genetiikkaa** löytyy myös Ruotsista ja Norjasta

(*Oslon ympäristöstä*), se on lähtöisin alkuperäisten suomensukuisten N-ryhmästä tai sitten

Suomesta 1100- 1600-luvulla tehtyjen (*Pohjanmaa -Satakunta alueiden-*) suurista

väestösiirroista Ruotsin Roslageniin ja yleensä Keski-Ruotsiin, **jo ennen**

metsäsuomalaisten siirtoja. Näiden ja Suomen suomalaisten proto-Rurkien jälkeläisiä

ovat mm. Rurik- dynastian ruhtinaat (*- hallintoaika n. 820-1600 jaa., tätä Rurikids-*

sukua oli myös myöhemmissä Romanovien hallinnossa).

USAN ITSENÄISYYSJULISTUKSEN ALLEKIRJOITTAJISTA VAIN YKSI EI OLLUT ENGLATILAIN TAUSTAINEN, JOHN MORTON - MARTTISEN ISÄ- JA ÄITILINJAT OVAT SUOMESTA

Samaa suomensukuisten N1c1-haploryhmää ovat myös Liettua- Puola (Valko-Venäjän-

Ukrainan alueiden) aluksi pakanallisen- / katolisen personalunionin suurvallan **1200-1700-**

lukujen Gediminid - Jagello hallitsijat (*nämä ovat geneettistä N-L550 jatkumoa Proto-*

Rurik > Proto Gegiminid jne..alkaen n. 2200 eaa./mm. Wäyrynen table 20.10.2013 -yllä).
Suomalaista N-ryhmää on myös mm. USA:n tsenäisyysjulistuskomitean puheenjohtaja, John Morton vuodelta 1776 (*alkujaan Marttinen, Suomesta*). Ks. John Morton historia; Marttinen sukua Suomessa ja Ruotsissa, muutto USA:n, valittu Philadelphian edustajaksi USA itsenäisyysjulistuksen allekirjoittajaksi jne. Uusia tietoja John Mortonista, hänen elämästään sekä aikaisesta kuolemasta (*ilm. tuberkuloosi*) ja -muistomerkeistään synnyinalueellaan, kirjoittajan matkakertomus 2013 matkasta, USA/Philadelphia -tulossa.

PS.

SUOMENSUKUISTEN (FINNIC) yDNA N -RYHMÄ ON ALKUPERÄISVÄESTÖÄ ITÄMEREN YMPÄRISTÖN ALUEILLA

PÄÄOSIN NYKYVÄESTÖN N - HAPLORYHMÄ TULOKSET RUOTSISSA (NORJASSA) OVAT ALKUJAAN SUOMESTA 1200- 1600- luvulla SIIRRETTYJEN MIESPUOLISTEN VÄESTÖJEN GENETIIKKA (mm. Gotlannin, Smälannin, myös Ruotsin eteläosien suomensukuiset väestöt ovat olleet ko. alueiden alkuperäisasukkaita)

Suomessa N- haploryhmän osuus on n. 60%, kun taas Ruotsin (- ja *Norjan*) N-haploryhmä osuus on vain (n. 7%). N-ryhmä on alkuperäsuomensukuisten vaikutusta Ruotsissa (*alkuperäisväestöä Ruotsissa*) tai Suomesta 1100- 1600- luvuilta peräisin (*siirrettyä*) olevaa yDNA- linjaa.

Siksi mm. Ruotsin nykymittausten mukaiset Proto- Rurikit ovat suomensukuista Itämeren altaan ympäristön N-ryhmän alkuperäväestöä (*Finnic*) tai Ruotsiin aluksi Roslagenin alueelle 1100-1400 AD siirrettyjä maanviljey-, kaivos- ja myöhempiä 1500-1600 AD metsäsuomalaisia Suomesta. Ks. artikkeli. [Onko N-ryhmä Ruotsissa kokonaan suomensukuisten- tai Suomesta tullutta genetiikkaa?](#) 8.3.2013 Seppo Liukko.

Ks. mm. Rurikid klaanin fylogeneettinen puu, jossa on merkitty N-L550 (L1025) mutaation Proto-Rurik- klusteripuun oksat alkaen n. 2200 eaa. lähde: [Molgen \(Mouglley 2012\) N1c1 -L550 Fylogeneettinen puu](#) (*suomensukuisten väestöjen N1c1 isälinjamutaatiot n. 2200 eaa. alkaen, teksti Seppo Liukko, kit 236032*).

10.-[Liukko- nimitutkimuksen tuloksia- geenitutkimusten pohjalta - ks. artikkelit](#), -

Suomalaisten ja suomensukuisten esihistoriaa, -kieli ja - genetiikka (*N-haploryhmän genetiikka korreloi su-kieliä, ks.tark. sivujen yhteenveto- kohta 1*), - Suomensukuisten väestöjen asutushistoriaa Euroopassa ja Suomessa